

REPLACEMENT SHEET

Fig. 1A

1	tgacttggatgttagacacctcgacccattcacaggactcttcattgtggatggcaatg	ATG	TAT	CGG	CCA	GAT	GTG	73
1		M	Y	R	P	D	V	6
74	G TG AGG GCT AGG AAA AGA GTT TGT TGG GAA CCC TGG GTT ATC GGC CTC GTC ATC TTC ATA							133
7	V R A R K R V C W E P W V I G L V I F I							26
134	TCC CTG ATT GTC CTG GCA GTG TGC ATT GGA CTC ACT GTT CAT TAT GTG AGA TAT AAT CAA							193
27	S L I V L A V C I G L T V H Y V R Y N Q							46
194	AAG AAG ACC TAC AAT TAC TAT AGC ACA TTG TCA TTT ACA ACT GAC AAA CTA TAT GCT GAG							253
47	K K T Y N Y Y S T L S F T T D K L Y A E							66
254	TTT GGC AGA GAG GCT TCT AAC AAT TTT ACA GAA ATG AGC CAG AGA CTT GAA TCA ATG GTG							313
67	F G R E A S N N F T E M S Q R L E S M V							86
314	AAA AAT GCA TTT TAT AAA TCT CCA TTA AGG GAA GAA TTT GTC AAG TCT CAG GTT ATC AAG							373
87	K N A F Y K S P L R E E F V K S Q V I K							106
374	TTC AGT CAA CAG AAG CAT GGA GTG TTG GCT CAT ATG CTG TTG ATT TGT AGA TTT CAC TCT							433
107	F S Q Q K H G V L A H M L L I C R F H S							126
434	ACT GAG GAT CCT GAA ACT GTA GAT AAA ATT GTT CAA CTT GTT TTA CAT GAA AAG CTG CAA							493
127	T E D P E T V D K I V Q L V L H E K L Q							146
494	GAT GCT GTA GGA CCC CCT AAA GTA GAT CCT CAC TCA GTT AAA ATT AAA AAA ATC AAC AAG							553
147	D A V G P P K V D P H S V K I K K I N K							166
554	ACA GAA ACA GAC AGC TAT CTA AAC CAT TGC TGC GGA ACA CGA AGA AGT AAA ACT CTA GGT							613
167	T E T D S Y L N H C C G T R R S K T L G							186
614	CAG AGT CTC AGG ATC GTT GGT GGG ACA GAA GTA GAA GAG GGT GAA TGG CCC TGG CAG GCT							673
187	Q S L R I V G G T E V E E G E W P W Q A							206
674	AGC CTG CAG TGG GAT GGG AGT CAT CGC TGT GGA GCA ACC TTA ATT AAT GCC ACA TGG CTT							733
207	S L Q W D G S H R C G A T L I N A T W L							226
734	GTG AGT GCT GCT CAC TGT TTT ACA ACA TAT AAG AAC CCT GCC AGA TGG ACT GCT TCC TTT							793
227	V S A A H C F T T Y K N P A R W T A S F							246
794	GGA GTA ACA ATA AAA CCT TCG AAA ATG AAA CGG GGT CTC CGG AGA ATA ATT GTC CAT GAA							853
247	G V T I K P S K M K R G L R R I I V H E							266
854	AAA TAC AAA CAC CCA TCA CAT GAC TAT GAT ATT TCT CTT GCA GAG CTT TCT AGC CCT GTT							913
267	K Y K H P S H D Y D I S L A E L S S P V							286
914	CCC TAC ACA AAT GCA GTA CAT AGA GTT TGT CTC CCT GAT GCA TCC TAT GAG TTT CAA CCA							973
287	P Y T N A V H R V C L P D A S Y E F Q P							306
974	GGT GAT GTG ATG TTT GTG ACA GGA TTT GGA GCA CTG AAA AAT GAT GGT TAC AGT CAA AAT							1033
307	G D V M F V T G F G A L K N D G Y S Q N							326
1034	CAT CTT CGA CAA GCA CAG GTG ACT CTC ATA GAC GCT ACA ACT TGC AAT GAA CCT CAA GCT							1093
327	H L R Q A Q V T L I D A T T C N E P Q A							346
1094	TAC AAT GAC GCC ATA ACT CCT AGA ATG TTA TGT GCT GGC TCC TTA GAA GGA AAA ACA GAT							1153
347	Y N D A I T P R M L C A G S L E G K T D							366
1154	GCA TGC CAG GGT GAC TCT GGA GGA CCA CTG GTT AGT TCA GAT GCT AGA GAT ATC TGG TAC							1213
367	A C Q G D S G G P L V S S D A R D I W Y							386
1214	CTT GCT GGA ATA GTG AGC TGG GGA GAT GAA TGT GCG AAA CCC AAC AAG CCT GGT GTT TAT							1273
387	L A G I V S W G D E C A K P N K P G V Y							406
1274	ACT AGA GTT ACG GCC TTG CGG GAC TGG ATT ACT TCA AAA ACT GGT ATC TAA gagagaaaaagcc							1336
407	T R V T A L R D W I T S K T G I *							423
1337	tcatggaaacagataacatttttttgtttttgggtgtggaggccattttagagatacagaattggagaagacttgca							1416
1417	aaacagctagattgactgatctcaataaactgtttgcttgatgcaaaaaaaaaaa							1471

REPLACEMENT SHEET

Fig. 1B

1	tgacttggatgttagacacctcgacccattcacaggactcttcattgctgggtggcaatg	ATG	TAT	CGG	CCA	GAT	GTG	73
1		M	Y	R	P	D	V	6
74	GTG AGG GCT AGG AAA AGA GTT TGT TGG GAA CCC TGG GTT ATC GGC CTC GTC ATG TTC ATA							133
7	V R A R K R V C W E P W V I G L V M F I							26
134	TCC CTG ATT GTC CTG GCA GTG TGC ATT GGA GTC ACT GTT CAT TAT GTG AGA TAT AAT CAA							193
27	S L I V L A V C I G V T V H Y V R Y N Q							46
194	AAG AAG ACC TAC AAT TAC TAT AGC ACA TTG TCA TTT ACA ACT GAC AAA CTA TAT GCT GAG							253
47	K K T Y N Y Y S T L S F T T D K L Y A E							66
254	TTT GGC AGA GAG GCT TCT AAC AAT TTT ACA GAA ATG AGC CAG AGA CTT GAA TCA ATG GTG							313
67	F G R E A S N N F T E M S Q R L E S M V							86
314	AAA AAT GCA TTT TAT AAA TCT CCA TTA AGG GAA GAA TTT GTC AAG TCT CAG GTT ATC AAG							373
87	K N A F Y K S P L R E E F V K S Q V I K							106
374	TTC AGT CAA CAG AAG CAT GGA GTG TTG GCT CAT ATG CTG TTG ATT TGT AGA TTT CAC TCT							433
107	F S Q Q K H G V L A H M L L I C R F H S							126
434	ACT GAG GAT CCT GAA ACT GTA GAT AAA ATT GTT CAA CTT GTT TTA CAT GAA AAG CTG CAA							493
127	T E D P E T V D K I V Q L V L H E K L Q							146
494	GAT GCT GTA GGA CCC CCT AAA GTA GAT CCT CAC TCA GTT AAA ATT AAA AAA ATC AAC AAG							553
147	D A V G P P K V D P H S V K I K K I N K							166
554	ACA GAA ACA GAC AGC TAT CTA AAC CAT TGC TGC GGA ACA CGA AGA AGT AAA ACT CTA GGT							613
167	T E T D S Y L N H C C G T R R S K T L G							186
614	CAG AGT CTC AGG ATC GTT GGT GGG ACA GAA GTA GAA GAG GGT GAA TGG CCC TGG CAG GCT							673
187	Q S L R I V G G T E V E E G E W P W Q A							206
674	AGC CTG CAG TGG GAT GGG AGT CAT CGC TGT GGA GCA ACC TTA ATT AAT GCC ACA TGG CTT							733
207	S L Q W D G S H R C G A T L I N A T W L							226
734	GTG AGT GCT CAC TGT TTT ACA ACA TAT AAG AAC CCT GCC AGA TGG ACT GCT TCC TTT							793
227	V S A A H C F T T Y K N P A R W T A S F							246
794	GGA GTA ACA ATA AAA CCT TCG AAA ATG AAA CGG GGT CTC CGG AGA ATA ATT GTC CAT GAA							853
247	G V T I K P S K M K R G L R R I I V H E							266
854	AAA TAC AAA CAC CCA TCA CAT GAC TAT GAT ATT TCT CTT GCA GAG CTT TCT AGC CCT GTT							913
267	K Y K H P S H D Y D I S L A E L S S P V							286
914	CCC TAC ACA AAT GCA GTA CAT AGA GTT TGT CTC CCT GAT GCA TCC TAT GAG TTT CAA CCA							973
287	P Y T N A V H R V C L P D A S Y E F Q P							306
974	GGT GAT GTG ATG TTT GTG ACA GGA TTT GGA GCA CTG AAA AAT GAT GGT TAC AGT CAA AAT							1033
307	G D V M F V T G F G A L K N D G Y S Q N							326
1034	CAT CTT CGA CAA GCA CAG GTG ACT CTC ATA GAC GCT ACA ACT TGC AAT GAA CCT CAA GCT							1093
327	H L R Q A Q V T L I D A T T C N E P Q A							346
1094	TAC AAT GAC GCC ATA ACT CCT AGA ATG TTA TGT GCT GGC TCC TTA GAA GGA AAA ACA GAT							1153
347	Y N D A I T P R M L C A G S L E G K T D							366
1154	GCA TGC CAG GGT GAC TCT GGA GGA CCA CTG GTT AGT TCA GAT GCT AGA GAT ATC TGG TAC							1213
367	A C Q G D S G G P L V S S D A R D I W Y							386
1214	CTT GCT GGA ATA GTG AGC TCG GGA GAT GAA TGT GCG AAA CCC AAC AAG CCT GGT GTT TAT							1273
387	L A G I V S S G D E C A K P N K P G V Y							406
1274	ACT AGA GTT ACG GCC TTG CGG GAC TGG ATT ACT TCA AAA ACT GGT ATC TAA gagagaaaagcc							1336
407	T R V T A L R D W I T S K T G I *							423
1337	tcatggAACAGATAACATTTTTGTTGGTGGAGGCCATTTAGAGATAACAGAAATTGGAGAACACTTGCA							1416
1417	aaacagctagattgactgatctcaataaactgtttgcttgatgcaaaaaaaaaaaaaaa							1471

